

**SN**

# 中华人民共和国出入境检验检疫行业标准

SN/T 4406—2015

## 竹花叶病毒的检疫鉴定方法

Detection and identification of *Bamboo mosaic virus*

2015-12-04 发布

2016-07-01 实施



中 华 人 民 共 和 国  
国 家 质 量 监 督 检 验 检 疫 总 局

发 布

## 前　　言

本标准按照 GB/T 1.1—2009 给出的规则起草。

本标准由国家认证认可监督管理委员会提出并归口。

本标准起草单位：中华人民共和国福建出入境检验检疫局、中华人民共和国厦门出入境检验检疫局、中国检验检疫科学研究院、福建农林大学。

本标准主要起草人：沈建国、廖富荣、蔡伟、林双庆、陈雅菁、李敏、张永江、金晶、高芳銮、吴祖建。

## 竹花叶病毒的检疫鉴定方法

### 1 范围

本标准规定了竹花叶病毒检测的程序和方法。

本标准适用于进出境竹子上竹花叶病毒的检测。

### 2 规范性引用文件

下列文件对于本文件的应用是必不可少的。凡是注日期的引用文件,仅注日期的版本适用于本文件。凡是不注日期的引用文件,其最新版本(包括所有的修改单)适用于本文件。

SN/T 2122 进出境植物及植物产品检疫抽样

### 3 原理

中文名称:竹花叶病毒

学名:*Bamboo mosaic virus*,缩写:BaMV

分类地位:线形病毒科(*Alphaflexiviridae*),马铃薯 X 病毒属(*Potexvirus*)。

竹花叶病毒的血清学、分子生物学特性是制定本检疫鉴定方法的主要依据。竹花叶病毒的寄主范围、病害症状、分布地区、传播途径、粒体形态、基因组等其他信息参见附录 A。

### 4 仪器设备、用具及试剂

#### 4.1 仪器设备

高速冷冻离心机、PCR 仪、酶标仪、凝胶成像分析系统等。

#### 4.2 用具

各种量程的可调移液器(1 000 μL、200 μL、100 μL、20 μL、10 μL、2 μL)、PCR 反应管、Eppendorf 离心管(1.5 mL)、研钵等。

#### 4.3 试剂

间接 ELISA 试剂见附录 B、RT-PCR 试剂见附录 C。

### 5 检测与鉴定

#### 5.1 抽样

抽样方法按照 SN/T 2122 中规定执行。

#### 5.2 间接 ELISA

具体方法见附录 B。

### 5.3 RT-PCR

具体方法见附录 C。

## 6 结果判定与记录

### 6.1 结果判定

结果判定如下：

- 当间接 ELISA 检测结果为阳性,且 RT-PCR 检测结果为阳性时,则判定为检出 BaMV,否则判定为未检出 BaMV。
- 当 RT-PCR 检测结果呈阳性,且测定的序列为 BaMV 序列,则判定为检出 BaMV,否则判定为未检出 BaMV。

### 6.2 结果记录

记录各项实验数据,包括样品来源、种类、时间,实验的时间、地点、方法和结果等,并要有经手人和实验人员的签字。血清学检测结果保留吸光值的数据报告,分子生物学检测结果保留电泳照片,序列测定结果保留测序报告图。

## 7 样品的保存

经检测结果判定为阳性的样品应妥善保存在-80 °C超低温冰箱中,并作好登记和标记工作,以备复核用。

附录 A  
(资料性附录)  
竹花叶病毒的背景资料

#### A.1 寄主范围

已报道的自然寄主为竹子,包括绿竹、蓬莱竹、长枝竹、泰山竹、麻竹、孟宗竹、箭竹等。

#### A.2 病害症状

BaMV 侵染竹子均为系统性感染,一般在叶片引起黄化或褐化的条斑症状,以嫩叶上尤为明显,在竹笋与竹茎横剖面上可观察到褐色到黑色的斑点,上下延伸后在纵剖面上则呈现短钉状病斑,导致竹笋组织硬化,感病后期或数年后,造成竹笋产量显著减少。

#### A.3 分布地区

主要分布于中国台湾、巴西、澳大利亚及夏威夷。

#### A.4 传播途径

主要通过机械传播。可通过带毒竹子种苗进行远距离传播。

#### A.5 粒体形态

病毒粒体为长丝状,大小约 490 nm×15 nm,如图 A.1。



图 A.1 BaMV 病毒粒体(Lapierre H 和 Signoret P,2004)

#### A.6 病毒基因组

基因组为正义单链 RNA,全长约 6 366 bp。

附录 B  
(规范性附录)  
间接 ELISA

**B.1 试剂****B.1.1 包被缓冲液(pH9.6)**

碳酸钠(Na <sub>2</sub> CO <sub>3</sub> )	1.59 g
碳酸氢钠(NaHCO <sub>3</sub> )	2.93 g
叠氮化钠(NaN <sub>3</sub> )	0.2 g

加入蒸馏水 900 mL, 用 HCl 调节 pH 值到 9.6, 然后加蒸馏水至 1 L, 4 °C 储存。

**B.1.2 磷酸盐缓冲液(PBS,pH7.4)**

氯化钠(NaCl)	8.0 g
磷酸二氢钾(KH <sub>2</sub> PO <sub>4</sub> )	0.2 g
磷酸氢二钠(Na <sub>2</sub> HPO <sub>4</sub> )	1.15 g
氯化钾(KCl)	0.2 g
叠氮化钠(NaN <sub>3</sub> )	0.2 g

加入 900 mL 蒸馏水溶解, 用 NaOH 或 HCl 调节 pH 值到 7.4, 然后加水至 1 L。

**B.1.3 PBST**

每升 PBS 中加入 0.5 mL 的吐温-20。

**B.1.4 酶标抗体稀释缓冲液**

1×PBST 缓冲液	800.0 mL
牛血清白蛋白( BSA )	2.0 g
聚乙烯基吡咯烷酮(PVP)	20.0 g
叠氮钠(NaN <sub>3</sub> )	0.2 g

用蒸馏水定容至 1 L, 4 °C 条件下贮存。

**B.1.5 底物(pNPP)缓冲液(pH9.8)**

氯化镁(MgCl <sub>2</sub> )	0.1 g
叠氮化钠(NaN <sub>3</sub> )	0.2 g
二乙醇胺	97.0 mL

溶于 800 mL 蒸馏水中, 用 HCl 调 pH 值至 9.8, 蒸馏水定容至 1 L, 4 °C 储存。

**B.1.6 抗体**

病毒抗体: BaMV 抗体。

酶标抗体: 碱性磷酸酶标记羊抗兔 IgG。

## B.2 程序

### B.2.1 样品制备

称取 0.5 g ~ 1.0 g 待测样品, 按 1 : 10(质量 : 体积)比例加入包被缓冲液, 用研钵研磨成浆, 8 000 r/min 离心 5 min, 上清液即为制备好的检测样品。阴性对照、阳性对照作相应的处理或按说明书进行。

### B.2.2 包被抗原

加入制备好的检测样品, 同时设备阴性对照、阳性对照和空白对照。每个处理至少设 2 个重复。100  $\mu$ L/孔, 37 °C 孵育 1 h 或 4 °C 冰箱孵育过夜, 倒去酶联板孔中溶液, 用 PBST 洗涤 4 次~6 次。

### B.2.3 加病毒抗体

将病毒抗体按说明稀释至工作浓度, 加入到酶联板的孔中, 100  $\mu$ L/孔, 37 °C 孵育 1 h, 倒去酶联板孔中溶液, 用 PBST 洗涤 4 次~6 次。

### B.2.4 加酶标抗体

将酶标抗体按说明将稀释至工作浓度, 加入到酶联板的孔中, 100  $\mu$ L/孔, 37 °C 孵育 1 h, 倒去酶联板孔中溶液, 用 PBST 洗涤 4 次~6 次。

### B.2.5 加底物

将底物 pNPP 加入到底物缓冲液中使终浓度为 1 mg/mL(现配现用), 按 100  $\mu$ L/孔, 加入到酶联板中, 室温避光孵育。

### B.2.6 吸光值的测定

用酶联仪在 405 nm 处读 OD 值。

## B.3 结果判断

在满足阴性对照孔的  $OD_{405}$  值  $< 0.15$ 、阳性对照孔的  $OD_{405}$  值 / 阴性对照孔的  $OD_{405}$  值  $> 5 \sim 10$ , 孔的重复性基本一致的质量要求:

样品  $OD_{405}$  值 / 阴性对照  $OD_{405}$  值  $> 2$ , 判为阳性。

样品  $OD_{405}$  值 / 阴性对照  $OD_{405}$  值  $< 2$ , 判为阴性。

样品  $OD_{405}$  值 / 阴性对照  $OD_{405}$  值 在阈值附近, 判为可疑样品, 需重新做一次, 或用其他方法加以验证。

附录 C  
(规范性附录)  
RT-PCR 检测方法

### C.1 试剂

#### C.1.1 TRIzol 裂解液

#### C.1.2 5×TBE 缓冲液

Tris 碱	54.0 g
硼酸( $H_3BO_3$ )	27.5 g
0.5 mol/L EDTA(pH8.0)	20 mL
补充蒸馏水至 1 L。用时加蒸馏水稀释至 0.5×TBE。	

#### C.1.3 6×加样缓冲液

0.25%溴酚蓝  
40%(质量：体积)蔗糖水溶液。

#### C.1.4 RNA 提取试剂

TrizoL、氯仿、异丙醇、75%乙醇、DEPC(焦碳酸二乙酯)处理过的 ddH<sub>2</sub>O。

#### C.1.5 RT-PCR 试剂

RT 缓冲液、dNTPs(10 mmol/L)、M-MLVRT(200 U/μL)、RNasin(40 U/μL)、Taq DNA 聚合酶(5 U/μL)、PCR 缓冲液、MgCl<sub>2</sub>(25 mmol/L)。

### C.2 引物序列

根据已报道的 BaMV 基因序列设计一对用于特异性扩增的引物。

上游引物 BaMVf: 5'-TCTGGAACTGGAACGGGAAC-3'

上游引物 BaMVR: 5'-GATTGTCTAACGGCGAACGTC-3'

RT-PCR 产物大小 437 bp。

### C.3 总 RNA 提取

取 0.05 g~0.1 g 样品组织置于研钵中, 液氮研细, 加入 1 mL TRIzol 试剂充分研磨, 15 ℃~30 ℃ 下静置 5 min; 4 ℃, 12 000 r/min 离心 10 min, 取上清; 加入氯仿 300 μL, 剧烈震荡 15 s, 室温静置 5 min, 4 ℃, 12 000 r/min 离心 15 min, 取上层水相; 加入等体积的异丙醇, 颠倒混匀后室温下静置 15 min, 4 ℃, 12 000 r/min 离心 10 min, 弃上清; 加入 1 mL 75% 的乙醇洗涤沉淀 2 次, 每次 4 ℃, 7 500 r/min 离心 3 min, 弃上清; RNA 沉淀干燥后, 用 20 μL~40 μL 经 DEPC(焦碳酸二乙酯)处理过的 ddH<sub>2</sub>O 溶解, -80 ℃ 保存备用。

注: RNA 提取也可用商业化的试剂盒。

#### C.4 cDNA 合成

在 PCR 管中加入 3  $\mu\text{L}$  总 RNA, 1  $\mu\text{L}$  下游引物 BaMVr(10  $\mu\text{mol/L}$ ), ddH<sub>2</sub>O(DEPC 处理)4  $\mu\text{L}$ , 70  $^{\circ}\text{C}$  水浴 10 min, 迅速冰浴 5 min, 再加入下列试剂: 5×RT 缓冲液 2.5  $\mu\text{L}$ 、dNTPs(10 mmol/L)1  $\mu\text{L}$ 、M-MLVRT(200 U/ $\mu\text{L}$ )0.5  $\mu\text{L}$ 、RNasin(40 U/ $\mu\text{L}$ )0.5  $\mu\text{L}$ 。42  $^{\circ}\text{C}$  水浴 60 min, 70  $^{\circ}\text{C}$  水浴 10 min, 自然冷却至室温, -20  $^{\circ}\text{C}$  保存备用。

#### C.5 PCR 扩增

PCR 反应体系见表 C.1, 每个反应设置 2 个重复。检测时以含有病毒目标片段的质粒或含病毒材料作为阳性对照, 以不含病毒的健康植物组织作阴性对照, 同时以水代替模板作为空白对照。

PCR 反应条件: 94  $^{\circ}\text{C}$  预变性 3 min, 然后 94  $^{\circ}\text{C}$  变性 30 s, 56  $^{\circ}\text{C}$  退火 45 s, 72  $^{\circ}\text{C}$  延伸 1 min, 35 个循环, 最后一个循环结束后 72  $^{\circ}\text{C}$  继续延伸 10 min。

表 C.1 PCR 反应体系

试剂名称	加样量/ $\mu\text{L}$
cDNA	2.0
Taq DNA 聚合酶(5 U/ $\mu\text{L}$ )	0.5
dNTPs(10 mmol/L)	0.5
10×PCR 缓冲液( $\text{Mg}^{2+}$ Free)	2.5
25 mmol/L MgCl <sub>2</sub>	2.0
上游引物(10 $\mu\text{mol/L}$ )	1.0
下游引物(10 $\mu\text{mol/L}$ )	1.0
ddH <sub>2</sub> O	15.5
总体积	25.0

注: RT-PCR 反应体系中各种试剂的量可根据具体情况进适当调整, 也可采用商业化的一步或两步法试剂盒。

#### C.6 琼脂糖凝胶电泳

制备 1.5% 的琼脂糖凝胶, 对 PCR 产物进行电泳, 电压 120 V, 缓冲液 0.5×TBE。电泳结束后染色, 再在凝胶成像系统中观察是否扩增出预期的特异性 DNA 电泳带, 拍照并做记录。

#### C.7 结果判断

如果阴性对照和空白对照无特异性扩增, 待测样品出现与阳性对照一致的扩增条带, 则判定为阳性。

如果阳性对照、阴性对照和空白对照正常, 待测样品未出现与阳性对照一致的扩增条带, 则判定为阴性。

### C.8 序列测定

PCR 产物纯化、回收后,进行克隆、测序,或者直接测序。把测序所得到的核苷酸序列与已知的 BaMV 相应序列进行比对(利用 NCBI 网站上的 BLAST 软件进行比对,网址为 <http://www.ncbi.nlm.nih.gov/BLAST/>)。若测定的核苷酸序列与已知的 BaMV 核苷酸序列同源性大于 72%(或氨基酸序列大于 80%),则判定为 BaMV 序列,否则为非 BaMV 序列。

---